

Об утверждении минимального перечня показателей результатов молекулярной генетической экспертизы, которая проводится в отношении одной головы племенного молодняка крупного рогатого скота

Приказ · № 711 · от 30.10.2025 · Министерство сельского хозяйства · Действует без изменений

Министерство юстиции
Российской Федерации
ЗАРЕГИСТРИРОВАНО
Регистрационный № 84487
от 8 декабря 2025 г.

МИНИСТЕРСТВО СЕЛЬСКОГО ХОЗЯЙСТВА РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ

ПРИКАЗ

Москва

30 октября 2025 г. № 711

Об утверждении минимального перечня показателей результатов молекулярной генетической экспертизы, которая проводится в отношении одной головы племенного молодняка крупного рогатого скота

В соответствии с абзацем третьим пункта 2 Правил предоставления и распределения субсидий из федерального бюджета бюджетам субъектов Российской Федерации в целях софинансирования расходных обязательств субъектов Российской Федерации по возмещению части затрат, возникающих при реализации мероприятий по развитию геномной селекции в области племенного животноводства, приведенных в приложении № 22 1 к Государственной программе развития сельского хозяйства и регулирования рынков сельскохозяйственной продукции, сырья и продовольствия, утвержденной постановлением Правительства Российской Федерации от 14 июля 2012 г. № 717, приказываю:

Утвердить прилагаемый минимальный перечень показателей результатов молекулярной генетической экспертизы, которая проводится в отношении одной головы племенного молодняка крупного рогатого скота.

И.о. Министра Е.В.Фастова

УТВЕРЖДЕН
приказом Минсельхоза России
от 30 октября 2025 г. № 711

МИНИМАЛЬНЫЙ ПЕРЕЧЕНЬ

показателей результатов молекулярной генетической экспертизы, которая проводится в отношении одной головы племенного молодняка крупного рогатого скота

1. Статус подтверждения происхождения племенного молодняка крупного рогатого скота 1 (далее - молодняк) по матери и по отцу, либо по матери, либо по отцу (соответствует либо не соответствует).

1 Абзац четвертый пункта 2 Правил предоставления и распределения субсидий из федерального бюджета бюджетам субъектов Российской Федерации в целях софинансирования расходных обязательств субъектов Российской Федерации по возмещению части затрат, возникающих при

реализации мероприятий по развитию геномной селекции в области племенного животноводства, приведенных в приложении № 22 1 к Государственной программе развития сельского хозяйства и регулирования рынков сельскохозяйственной продукции, сырья и продовольствия, утвержденной постановлением Правительства Российской Федерации от 14 июля 2012 г. № 717.

2. Статус носительства следующих генетических аномалий, генетически детерминированных заболеваний с указанием уникальных идентификационных номеров генетических аномалий и генетически детерминированных заболеваний в международной базе данных мутаций животных с менделевским типом наследования (далее - OMIA ID) в соответствии с перечнем генетически детерминированных заболеваний сельскохозяйственных племенных животных, приведенным в приложении № 3 к Положению о проведении молекулярной генетической экспертизы племенной продукции государств - членов Евразийского экономического союза, утвержденному Решением Коллегии Евразийской экономической комиссии от 2 июня 2020 г. № 74 2 (подтверждено либо не подтверждено):

2 Является обязательным для Российской Федерации в соответствии с Договором о Евразийском экономическом союзе от 29 мая 2014 г., ратифицированным Федеральным законом от 3 октября 2014 г. № 279-ФЗ "О ратификации Договора о Евразийском экономическом союзе" и вступившим в силу для Российской Федерации 1 января 2015 г. Решение Коллегии Евразийской экономической комиссии от 2 июня 2020 г. № 74 вступило в силу для Российской Федерации 6 мая 2021 г.

для молодняка голштинской породы черно-пестрой и красно-пестрой масти: HCD - голштинский гаплотип, ассоциированный с дефицитом холестерина (OMIA ID 001965-9913), BY - брахиспина (OMIA ID 000151-9913), HH5 - голштинский гаплотип 5 (OMIA ID 001941-9913), HH3 - голштинский гаплотип 3 (OMIA ID 001824-9913), HH4 - голштинский гаплотип 4 (OMIA ID 001826-9913), HH1 - голштинский гаплотип 1 (OMIA ID 000001-9913), BLAD - дефицит лейкоцитарной адгезии (OMIA ID 000595-9913), CVM - комплексный порок позвоночника (OMIA ID 001340-9913), DUMPS - дефицит уридинмонофосфатсинтазы (OMIA ID 000262-9913), BC - цитруллинемия (OMIA ID 000194-9913);

для молодняка пород айрширской, красной шведской, красной датской, англеской, викинг ред и пород, полученных в результате скрещивания с указанными породами: AH1 - эйрширский гаплотип 1 (OMIA ID 001934-9913);

для молодняка пород бурой швицкой, алатауской, костромской и пород, полученных в результате скрещивания с указанными породами: BH2 - гаплотип 2 бурой швицкой породы (OMIA ID 001939-9913), SDM - спинальная демиелинизация (OMIA ID 001247-9913), SAA - синдром арахномелии и артрогрипоза (OMIA ID 000059-9913), SMA - спинальная мышечная атрофия (OMIA ID 000939-9913), Weaver syndrome - синдром Вивера (OMIA ID 000827-9913);

для молодняка джерсейской породы и пород, полученных в результате скрещивания с джерсейской породой: JH1 - джерсейский гаплотип 1 (OMIA ID 001697-9913), BLAD - дефицит лейкоцитарной адгезии (OMIA ID 000595-9913), DUMPS - дефицит уридинмонофосфатсинтазы (OMIA ID 000262-9913), SMA - спинальная мышечная атрофия (OMIA ID 000939-9913);

для молодняка монбельярдской породы и пород, полученных в результате скрещивания с монбельярдской породой: SHGC - синдром гипоплазии (OMIA ID 001502-9913), MH1 - монбельярдский гаплотип 1 (OMIA ID 001827-9913), MH2 - монбельярдский гаплотип 2 (OMIA ID 001828-9913);

для молодняка абердин-ангусской породы и пород, полученных в результате скрещивания с абердин-ангусской породой: NH - нейропатическая гидроцефалия (OMIA ID 000487-9913), CA - контрактурная арахнодактилия (OMIA ID 001511-9913), DD - дубликации при развитии (OMIA ID 001226-9913), OS - остеопетроз (OMIA ID 001485-9913), AM - множественный артрогрипоз (OMIA ID 001465-9913), M1 - мутация миостатина, гипертрофия мускулатуры (OMIA ID 000683-9913), PRKG2 - карликовость ангусов (OMIA ID 001485-9913), A-MAN - альфа-маннозидоз (OMIA ID 000625-9913);

для молодняка герефордской, казахской белоголовой породы и пород, полученных в результате скрещивания с герефордской породой: HY - гипотрихоз (OMIA ID 001544-9913), DL - диллятор (OMIA ID 001545-9913);

для молодняка симментальской породы и пород, полученных в результате скрещивания с симментальской породой: A - арахномелия (OMIA ID 001541-9913), BMS - субфертильность быков (OMIA ID 001902-9913), ZDL - врожденный дефицит цинка (OMIA ID 001935-9913), GON4L - карликовость симменталов (OMIA ID 001985-9913), BH2 - гаплотип 2 бурой швицкой породы (OMIA ID 001939-9913), FH2 - симментальский гаплотип 2 (OMIA ID 001958-9913), FH4 - симментальский гаплотип 4 (OMIA ID 001960-9913);

для молодняка шортгорнской, галловейской, шаролезской и кианской пород: TH - гемимелия большой берцовой кости (OMIA ID 001009).

3. Количество однонуклеотидных полиморфизмов, для которых определены маркеры в геноме животного: не менее 40 000 однонуклеотидных полиморфизмов.